

I Curso de Bioinformática con datos de secuenciación masiva:

La intención de este curso es proporcionar unos conocimientos básicos y generales de Bioinformática partiendo de datos procedentes de técnicas de secuenciación masiva. Tendrá lugar los días 18 al 22 de Noviembre, y del 25 al 29 de Noviembre. 10 días en total. El horario será de 9:00 – 11:00 y de 11:30 – 13:30. 4 horas al día con 30 minutos de descanso. 40 horas lectivas en total. Será impartido en la Estación Biológica de Doñana (EBD-CSIC), Avenida Americo Vespucio 26, Sevilla. Concretamente en el aula de informática del LAST, situada en la 1ª planta de la EBD. El curso lo organiza la ICTS de la Reserva Biológica de Doñana, ICTS-RBD, está abierto tanto a personal de la EBD como al no perteneciente a ella, es gratuito, y está financiado por el proyecto “Mejora de la eficiencia energética y de los e-labs de la ICTS-Reserva Biológica de Doñana” cofinanciado por el Fondo Europeo de Desarrollo Regional (FEDER). El programa del curso es el siguiente:

- 1) Fundamentos de Biología Molecular importantes para Bioinformática.**
- 2) Técnicas actuales de secuenciación y sus ventajas e inconvenientes.**
- 3) Preprocesado de los datos.**
- 4) Genética de Poblaciones.**
- 5) Filogenia.**
- 6) Análisis de RNAseq.**
- 7) Metagenómica.**

Es imprescindible tener conocimientos básicos de Linux y de algún lenguaje de programación (BASH, Perl, Python o similar) para poder realizar este curso. Se tendrán en cuenta dichos conocimientos así como el potencial aprovechamiento del curso para la obtención de plaza. El número de plazas está limitado a 12.

Enlace para la inscripción en el curso: <http://www.ebd.csic.es/cursobioinformatica>



Unión Europea

Fondo Europeo
de Desarrollo Regional
“Una manera de hacer Europa”